

LC-MS basierte Proteinanalytik von Lebensmitteln – Allergenanalytik und Lebensmittelauthentizität

Dienstag, 21. Juni 2016

IGV GmbH, Hörsaal, Arthur-Scheunert-Allee 40/41, 14558 Nuthetal, Ortsteil Bergholz-Rehbrücke (nahe Potsdam)
Anreisetipps finden Sie hier: <http://www.igv-gmbh.de/igv-gmbh/kontakt/>

Seit einigen Jahren werden die Vor- und Nachteile der Massenspektrometrie gegenüber PCR und ELISA für die Analyse von Lebensmittelproben auf der Proteinebene diskutiert. Besonders Peptidmarker-basierte LC-MS/MS Methoden finden zunehmend Eingang in die Routineanalytik. Die neuesten Fortschritte auf diesem Gebiet stehen im Mittelpunkt dieser Veranstaltung.

Agenda

- 9:30 *Registrierung und Kaffee/ Tee*
- 10:00 Begrüßung
- 10:15 **Proteomics basierte Lösungsansätze in der Lebensmittelchemie zur Quantifizierung von Pflanzen mittels Markerpeptide und zur Pflanzenauthentizität in Produkten**
Prof. Dr. Harshadrai Rawel, Universität Potsdam und Dr. Gerd Huschek, IGV, Nuthetal
- 10:45 **Anwendung der LC-MS/MS Technik bei der Analyse von Allergenen in Food - bessere und sicherere Ergebnisse in der Analytik**
Dr. Marcus Macht, SCIEX, Darmstadt
- 11:15 **Open MS and KNIME - Tools for analysis of HPLC-MS data**
Dr. Sandro Andreotti, FU Berlin
- 11:45 **Mehr Spezifität und Selektivität in der LC-MS/MS Allergenanalytik mittels MRM³ Detektion**
Prof. Dr. Jens Brockmeyer, Universität Stuttgart
- 12:15 *Mittagspause/ Lunch*
- 13:00 **Automatisierungsmöglichkeiten mit PAL Autosamplern für die Analytik von Proteinen**
Dr. Andreas Bruchmann, Axel Semrau, Sprockhövel
- 13:15 **Fisch-Authentizitätsprüfung mit einer Peptid-Marker basierten LC-MS/MS Methode? Eine Machbarkeitsstudie**
Prof. Dr. Stefan Wittke, Hochschule Bremerhaven
- 13:50 Schlussworte

Das Seminar ist eine gemeinsame Veranstaltung von IGV und SCIEX. Ihre Teilnahme ist kostenfrei.
Wir freuen uns auf Sie!

